



LT2	--.FF-----T---R-A---L---QQ-AYE---PI---	38
LT1	-----FRS-----	39
LT1_1A	-G-R-----R-----HN-----	40
CT	NDDKLYRADSRPPDEIKQSGGLMPRGQSEYFDRGTQMNIN	40
	--E-----V--NT--N-----TVT--Q---E--N--GS-	78
	-----Y-----	79
	-----Y-----L-----A--S-----Y	80
	LYDHARGTQTGFVRHDDGYVST <u>S</u> ISLRS A HLVGQTILSGH	80
	NE-----V-P---L-D--G---R---Y-S-N-FA-----	118
	-LTIYI-----IS-----	116
	-----V---Y-----	120
	STYYIYVIATAPNMFN <u>V</u> NDVLGAY <u>S</u> PH <u>P</u> DEQEVSALGGIP	120
	L---I-----SF-A-EGGMQ---D--GDLF-G-TV--N--	158
	-----	156
	-----N---I--R-----E-----R--N---E-	160
	YSQIYGWYRVHFGVLDEQLHRNRYRDRYYSNLDIAPAAD	160
	--Q-----SNFP-----M--STF--EQ-VPNNKEFK-GV-I	198
	-----	196
	--R-----D-Q-----Q---DSS-TITGD--N	200
	GYGLAGFPPEHRAWREEPWIIHHAPPGCGNAPRSSMSNTCD	200
	SA-NV--KYD-MNFKKLL--RLALTFFM--D-F-GFHGE----	241 (SEQ ID NO:5)
	-----	236 (SEQ ID NO:6)
	-E--N-STIY-R-----D---EV-.IY---.R---	240 (SEQ ID NO:7)
	EKTQSLGVKFLDEYQSKVKRQIFSGY.QSDID.THNRI.KDEL	240 (SEQ ID NO:8)

FIGURE 8